

Perfiles de susceptibilidad antimicrobiana 2018



Red de resistencia a los antimicrobianos “Red Whonet Ecuador”

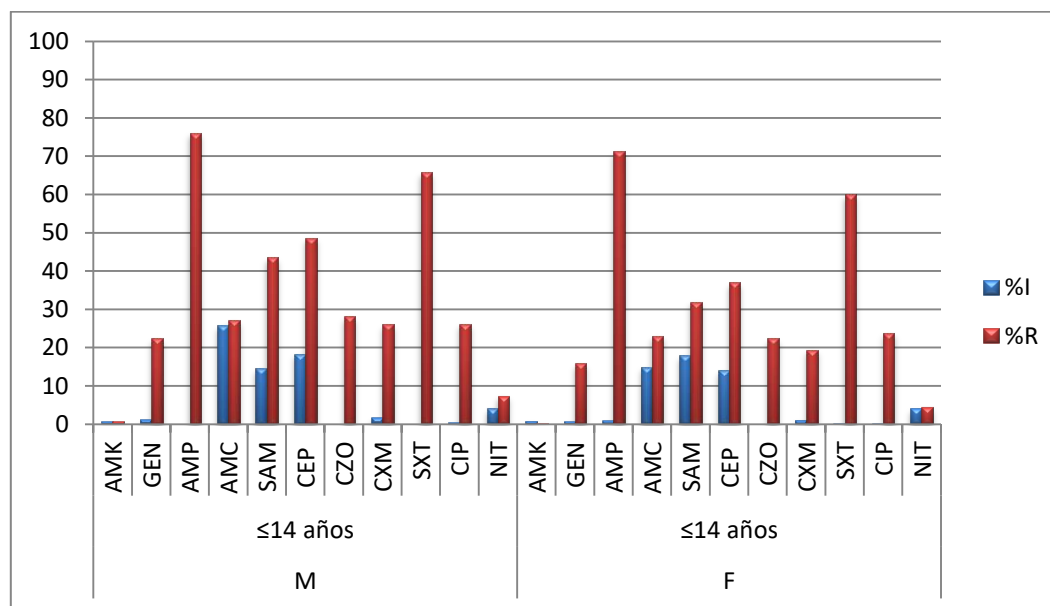
CENTRO DE REFERENCIA NACIONAL DE RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANO

Sigla	Nombre del antibiótico	Clase
AMK	Amikacina	Aminoglucósido
GEH	Gentamicina de alta carga	Aminoglucósido
GEN	Gentamicina	Aminoglucósido
STH	Estreptomina de alta carga	Aminoglucósido
AMP	Ampicilina	Betalactámico
AMX	Amoxicilina	Betalactámico
OXA	Oxacilina	Betalactámico
PEN	Penicilina	Betalactámico
AMC	Amoxicilina-Ac, Clavulanico	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
AMS	Ampicilina-sulbactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
TZP	Piperacilina-Tazobactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
IPM	Imipenem	Betalactámico, Carbapenem
MEM	Meropenem	Betalactámico, Carbapenem
ETP	Ertapenem	Betalactámico, Carbapenem
ATM	Aztreonam	Betalactámico, Monobactámico
CEP	Cefalotina	Cefalosporina, 1ra Generación
CZO	Cefazolina	Cefalosporina, 1ra Generación
CXM	Cefuroxima	Cefalosporina, 2da Generación
FOX	Cefoxitina	Cefalosporina, 2da Generación
C3G	Cefalosporinas de tercera generacion	Cefalosporina, 3ra Generación
CAZ	Ceftazidima	Cefalosporina, 3ra Generación
CRO	Ceftriaxona	Cefalosporina, 3ra Generación
CTX	Cefotaxima	Cefalosporina, 3ra Generación
FEP	Cefepime	Cefalosporina, 4ta Generación
CHL	Cloranfenicol	Cloranfenicol
COL	Colistina	Péptido cíclico
SXT	Trimethoprima + Sulfametoxazol	Dihydrofolate reductase inhibitors + Sulfa Drug
LVX	Levofloxacina	Fluoroquinolona
CIP	Ciprofloxacina	Fluoroquinolona, 2da Generación
FOS	Fosfomicina	Fosfomicina
TEC	Teicoplanina	Glucopéptido
VAN	Vancomicina	Glucopéptido
CLI	Clindamicina	Lincosamida
LNZ	Linezolid	Oxazolidinona
NIT	Nitrofurantoina	Nitrofurano
NAL	Acido nalidixico	Quinolona
RIF	Rifampicina	Rifampicina
MNO	Minociclina	Tetraciclina
TCY	Tetraciclina	Tetraciclina
TGC	Tigeciclina	Tetraciclina (glicilciclina)

Escherichia coli

Criterios: Infección urinaria ≤14 años, origen comunitario

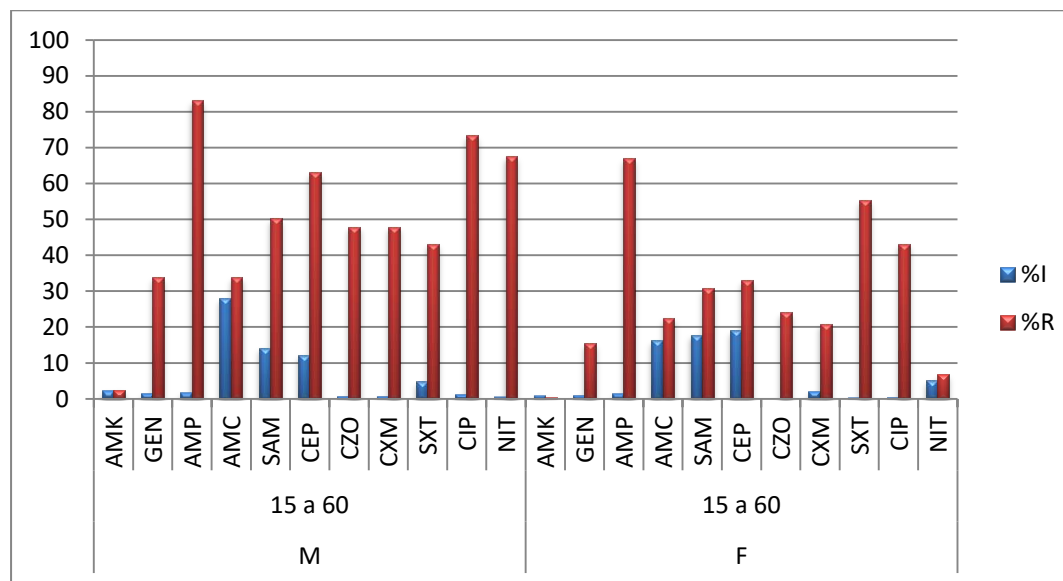
Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Intermedio %I	Resistente %R
N°	Intermedia	Resistente					
142	1	1	M	≤14 años	AMK	0,7	0,7
175	2	39			GEN	1,1	22,3
171	0	130			AMP	0,0	76,0
70	18	19			AMC	25,7	27,1
172	25	75			SAM	14,5	43,6
109	20	53			CEP	18,3	48,6
64	0	18			CZO	0,0	28,1
181	3	47			CXM	1,7	26,0
190	0	125			SXT	0,0	65,8
168	1	44			CIP	0,6	26,2
192	8	14			NIT	4,2	7,3
910	8	3	F	≤14 años	AMK	0,9	0,3
1133	9	179			GEN	0,8	15,8
1092	10	777			AMP	0,9	71,2
489	73	113			AMC	14,9	23,1
1102	197	352			SAM	17,9	31,9
673	95	249			CEP	14,1	37,0
401	0	90			CZO	0,0	22,4
1106	12	215			CXM	1,1	19,4
1196	3	718			SXT	0,3	60,0
1071	2	255			CIP	0,2	23,8
1236	51	55			NIT	4,1	4,4



Escherichia coli

Criterios: Infección urinaria 15-60 años, origen comunitario

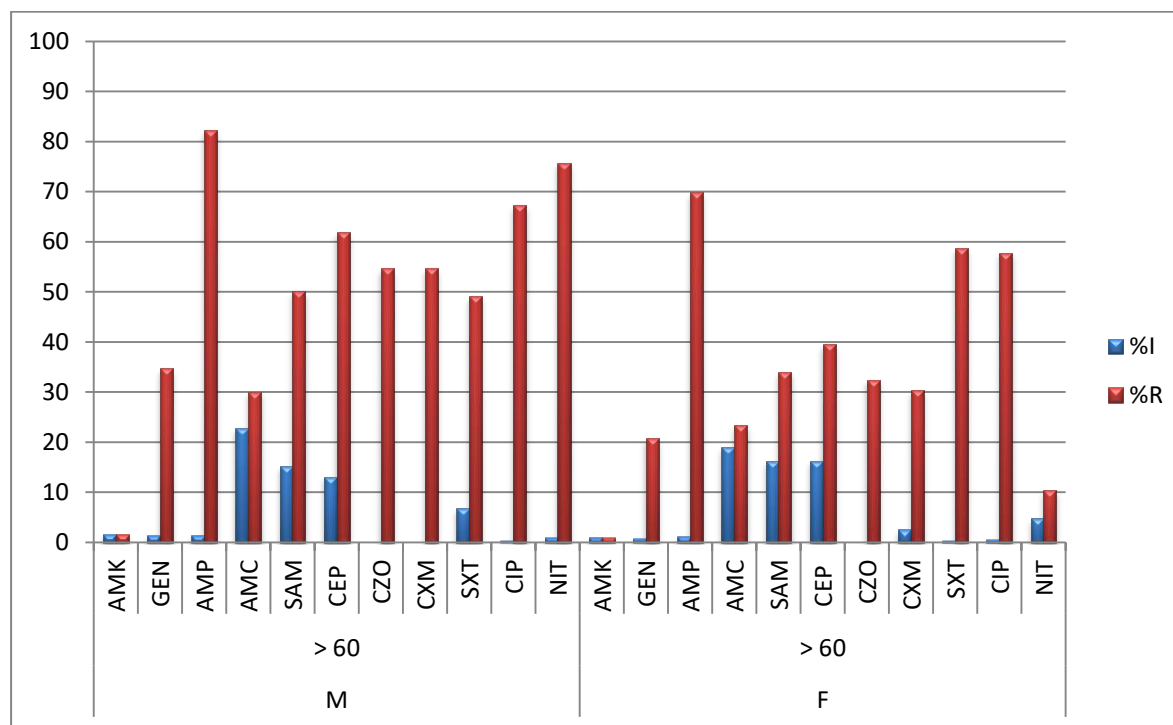
Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Intermedio %I	Resistente %R
N°	Intermedia	Resistente					
364	8	9	M	15 a 60	AMK	2,2	2,5
469	7	158			GEN	1,5	33,7
355	6	295			AMP	1,7	83,1
207	58	70			AMC	28,0	33,8
382	54	192			SAM	14,1	50,3
222	27	140			CEP	12,2	63,1
142	1	68			CZO	0,7	47,9
371	18	160			CXM	0,7	47,9
472	6	346			SXT	4,9	43,1
473	3	319			CIP	1,3	73,3
483	32	65			NIT	0,6	67,4
4523	42	26	F	15 a 60	AMK	0,9	0,6
5491	53	844			GEN	1,0	15,4
4372	62	2924			AMP	1,4	66,9
2611	426	588			AMC	16,3	22,5
4753	845	1460			SAM	17,8	30,7
2471	469	816			CEP	19,0	33,0
1873	0	449			CZO	0,0	24,0
4559	96	952			CXM	2,1	20,9
5678	25	3138			SXT	0,4	55,3
5509	27	2376			CIP	0,5	43,1
5710	289	387			NIT	5,1	6,8



Escherichia coli

Criterios: Infección urinaria >60 años, origen comunitario

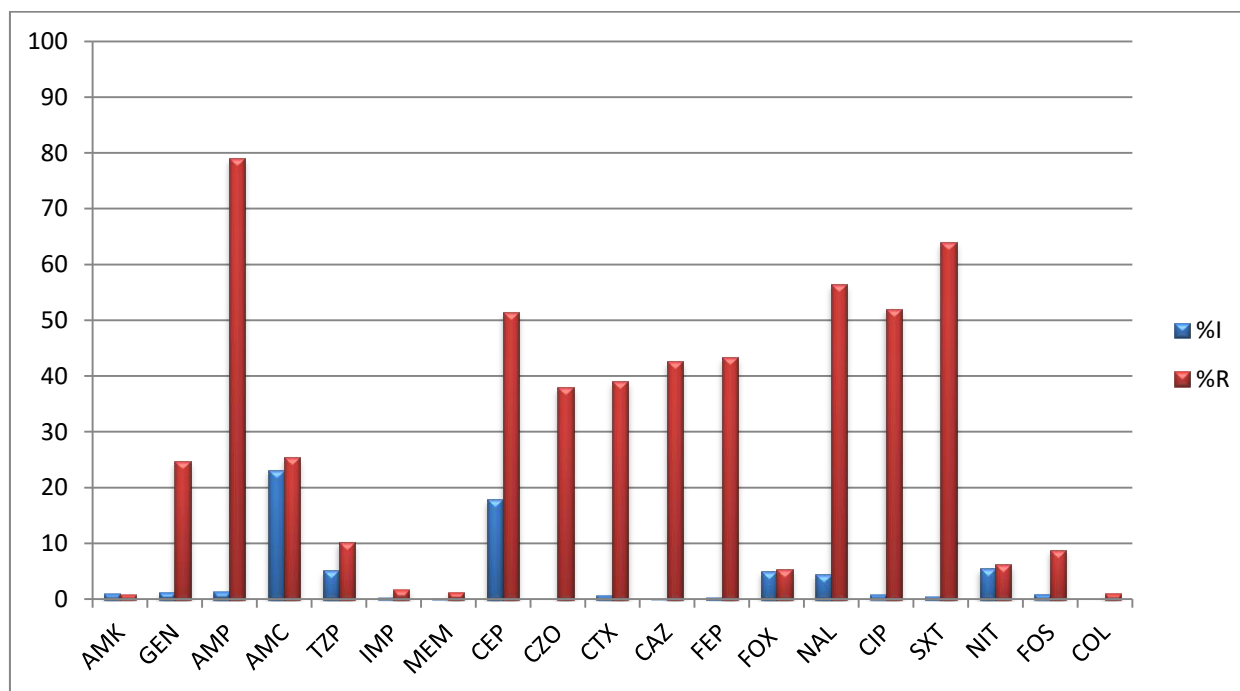
Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente				%I	%R
784	13	13	M	> 60	AMK	1,7	1,7
987	14	343			GEN	1,4	34,8
826	12	680			AMP	1,5	82,3
373	85	112			AMC	22,8	30,0
815	124	408			SAM	15,2	50,1
544	71	336			CEP	13,1	61,8
256	0	140			CZO	0,0	54,7
812	55	398			CXM	0,0	54,7
976	3	656			SXT	6,8	49,0
954	9	722			CIP	0,3	67,2
985	64	214			NIT	0,9	75,7
2622	26	24	F	> 60	AMK	1,0	0,9
3203	22	665			GEN	0,7	20,8
2749	33	1919			AMP	1,2	69,8
1406	267	328			AMC	19,0	23,3
2745	443	932			SAM	16,1	34,0
1620	263	640			CEP	16,2	39,5
1081	0	350			CZO	0,0	32,4
2707	68	821			CXM	2,5	30,3
3266	11	1916			SXT	0,3	58,7
3170	20	1831			CIP	0,6	57,8
3282	157	340			NIT	4,8	10,4



Escherichia coli

Criterios: Origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Intermedio	Resistente
	N°	Intermedia		%I	%R
8249	82	71	AMK	1,0	0,9
10092	132	2490	GEN	1,3	24,7
5684	77	4493	AMP	1,4	79,0
2835	656	720	AMC	23,1	25,4
5457	283	560	TZP	5,2	10,3
6192	18	104	IMP	0,3	1,7
8397	9	111	MEM	0,1	1,3
3707	662	1906	CEP	17,9	51,4
1479	0	562	CZO	0,0	38,0
4776	35	1864	CTX	0,7	39,0
8430	5	3587	CAZ	0,1	42,6
8261	33	3579	FEP	0,4	43,3
4110	206	221	FOX	5,0	5,4
676	30	381	NAL	4,4	56,4
9821	77	5111	CIP	0,8	52,0
6533	35	4181	SXT	0,5	64,0
5521	304	342	NIT	5,5	6,2
3966	37	349	FOS*	0,9	8,8
2428	0	26	COL*	0,0	1,1

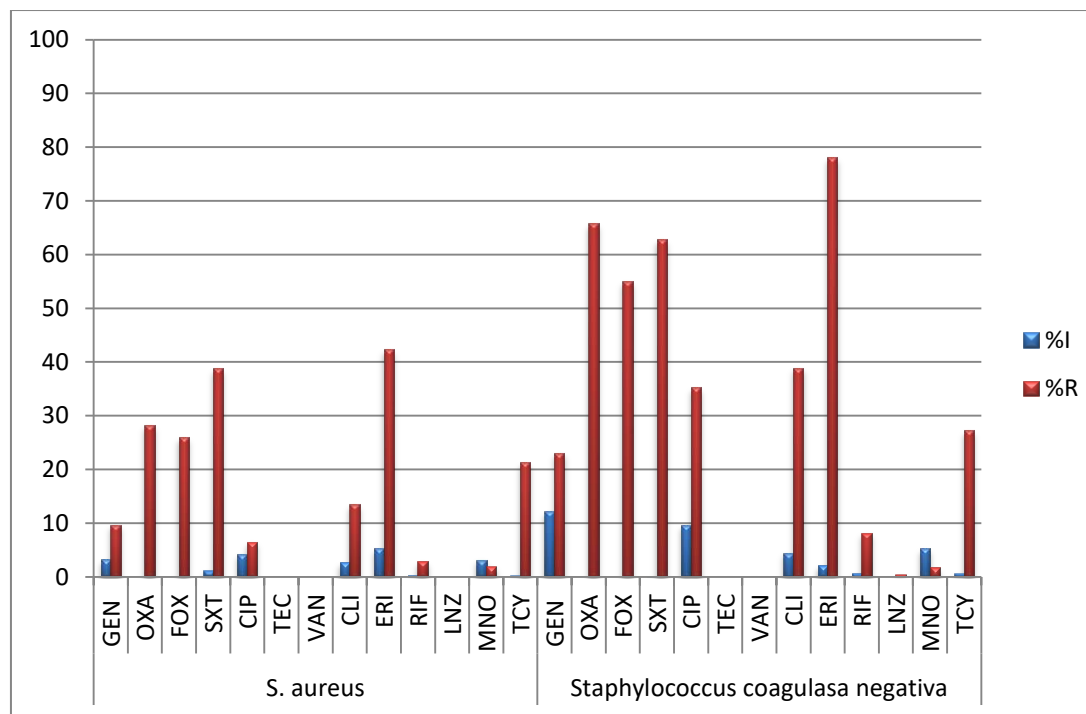


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Staphylococcus spp.

Criterios: origen comunitario

Total N°	N°		Especie	Antibiótico	Intermedio %I	Resistente %R
	Intermedio	Resistente				
1138	37	110	<i>S. aureus</i>	GEN	3,3	9,7
967	0	272		OXA	0,0	28,1
516	0	134		FOX	0,0	26,0
1168	13	453		SXT	1,1	38,8
1178	50	76		CIP	4,2	6,5
186	0	0		TEC	0,0	0,0
904	0	0		VAN*	0,0	0,0
1214	33	164		CLI	2,7	13,5
1201	64	508		ERI	5,3	42,3
830	3	24		RIF	0,4	2,9
1046	0	0		LNZ*	0,0	0,0
158	5	3		MNO	3,2	1,9
633	2	135		TCY	0,3	21,3
642	78	148	<i>Staphylococcus</i> <i>coagulasa</i> <i>negativa</i>	GEN	12,1	23,1
606	0	399		OXA	0,0	65,8
207	0	114		FOX	0,0	55,1
664	1	417		SXT	0,2	62,8
696	67	245		CIP	9,6	35,2
72	0	0		TEC	0,0	0,0
574	0	0		VAN*	0,0	0,0
692	31	269		CLI	4,5	38,9
698	15	545		ERI	2,1	78,1
554	4	45		RIF	0,7	8,1
657	0	3		LNZ*	0,0	0,5
57	3	1		MNO	5,3	1,8
496	3	135		TCY	0,6	27,2

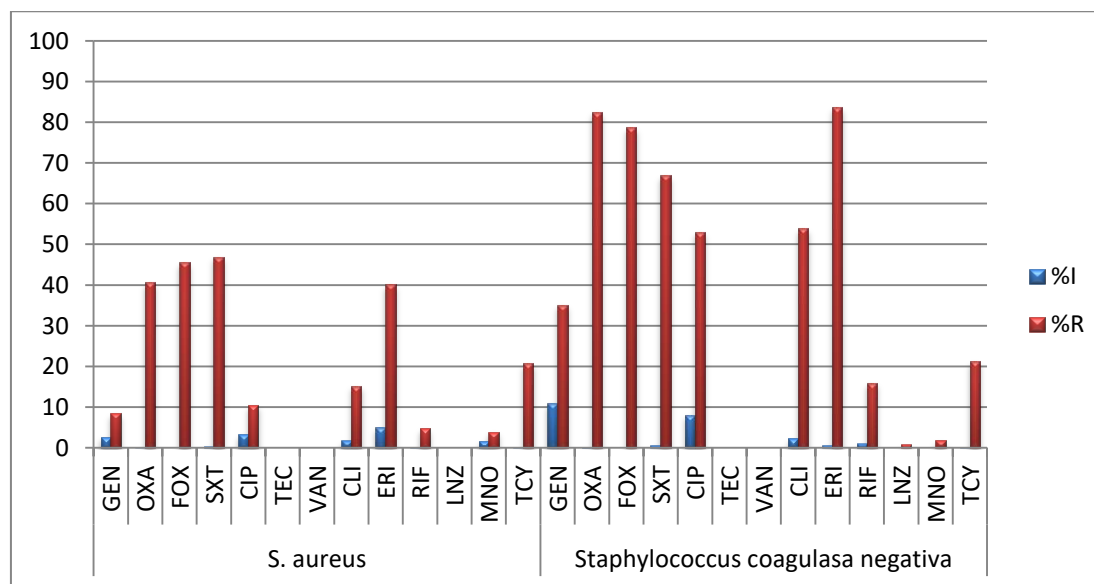


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Staphylococcus spp.

Criterios: origen hospitalario

Total	N°		Especie	Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente			%I	%R
3133	85	268	<i>S. aureus</i>	GEN	2,7	8,6
2691	2	1096		OXA	0,1	40,7
1037	0	472		FOX	0,0	45,5
3040	13	1427		SXT	0,4	46,9
3037	100	318		CIP	3,3	10,5
300	0	0		TEC	0,0	0,0
2642	0	0		VAN	0,0	0,0
3258	60	496		CLI	1,8	15,2
3229	161	1297		ERI	5,0	40,2
2253	4	107		RIF	0,2	4,7
3039	0	0		LNZ	0,0	0,0
282	5	11		MNO	1,8	3,9
1973	3	409		TCY	0,2	20,7
2492	275	876	<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	11,0	35,2
2272	6	1875		OXA	0,3	82,5
748	0	589		FOX	0,0	78,7
2364	15	1583		SXT	0,6	67,0
2420	196	1284		CIP	8,1	53,1
151	0	0		TEC	0,0	0,0
2153	0	0		VAN*	0,0	0,0
2585	60	1392		CLI	2,3	53,8
2611	17	2183		ERI	0,7	83,6
1772	19	283		RIF	1,1	16,0
2480	0	23		LNZ*	0,0	0,9
159	0	3		MNO	0,0	1,9
1665	3	354		TCY	0,2	21,3

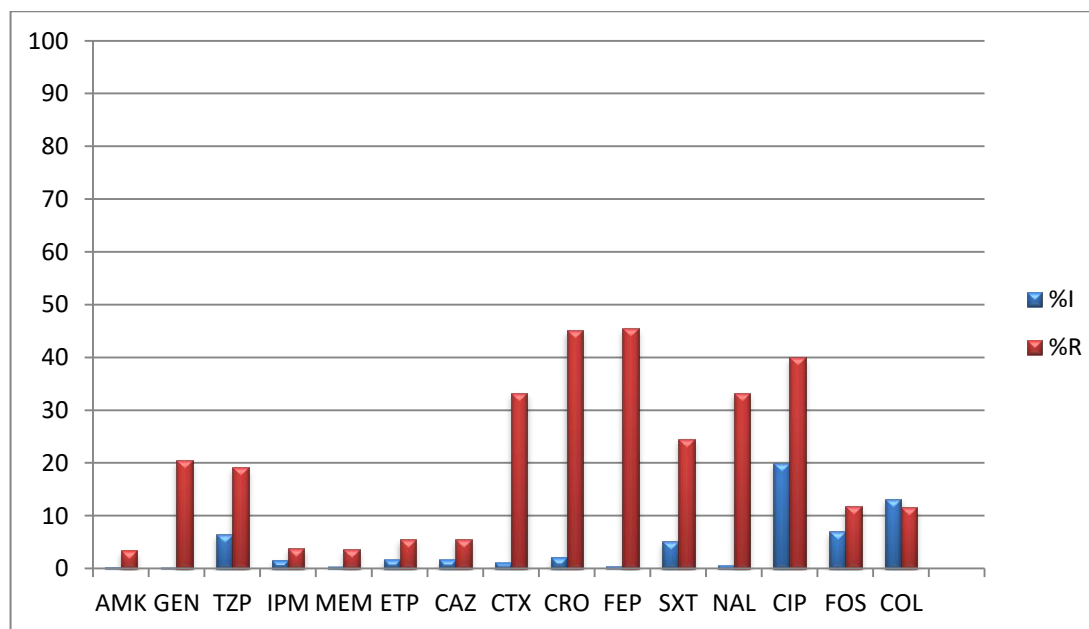


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Enterobacter cloacae

Criterios: origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente			
888	3	30	AMK	0,34	3,38
1023	2	210	GEN	0,20	20,53
787	51	151	TZP	6,48	19,19
917	15	35	IPM	1,64	3,82
973	4	36	MEM	0,41	3,70
804	14	44	ETP	1,74	5,47
935	11	311	CAZ	1,74	5,47
184	4	83	CTX	1,18	33,26
806	4	367	CRO	2,17	45,11
949	49	233	FEP	0,50	45,53
285	2	95	SXT	5,16	24,55
10	2	4	NAL	0,70	33,33
1019	71	121	CIP	20,00	40,00
121	16	14	FOS*	6,97	11,87
542	0	24	COL*	13,22	11,57

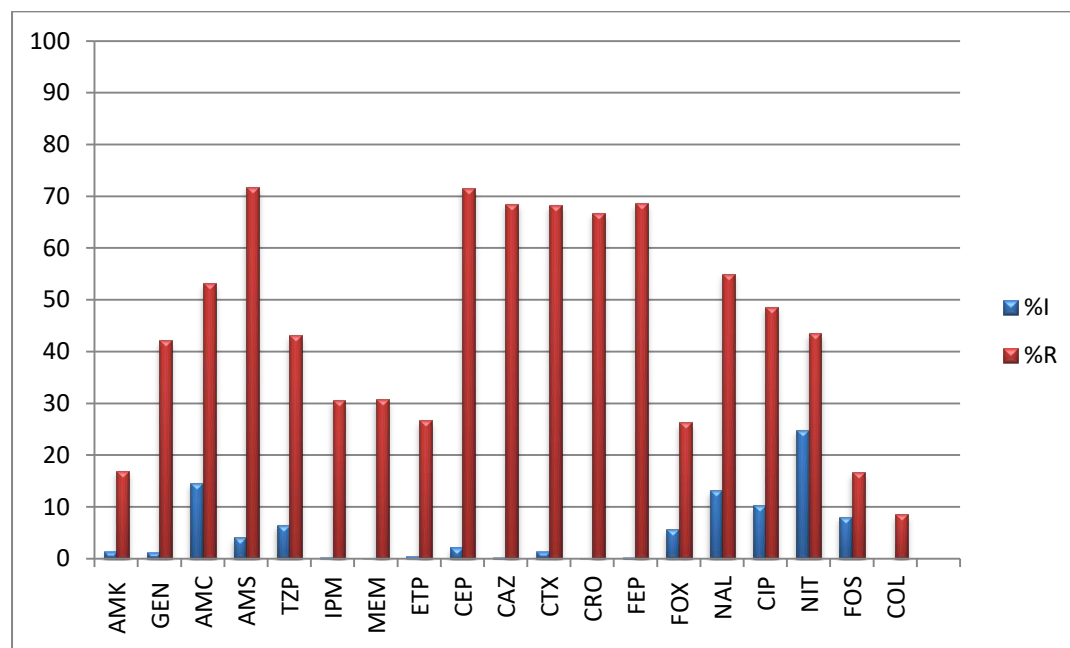


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Klebsiella pneumoniae

Criterios: origen hospitalario

Total N°	N°		Antibiótico	Intermedio %I	Resistente %R
	Intermedia	Resistente			
4507	63	763	AMK	1,4	16,9
5056	64	2131	GEN	1,3	42,1
922	135	490	AMC	14,6	53,1
4313	174	3098	AMS	4,0	71,8
3854	250	1664	TZP	6,5	43,2
4356	14	1328	IPM	0,3	30,5
4698	4	1441	MEM	0,1	30,7
3288	17	876	ETP	0,5	26,6
873	19	624	CEP	2,2	71,5
4322	12	2960	CAZ	0,3	68,5
1487	21	1016	CTX	1,4	68,3
4025	5	2687	CRO	0,1	66,8
4546	13	3120	FEP	0,3	68,6
2520	142	663	FOX	5,6	26,3
160	21	88	NAL	13,1	55,0
5073	518	2466	CIP	10,2	48,6
1125	280	490	NIT	24,9	43,6
915	74	152	FOS*	8,1	16,6
2584	0	221	COL*	0,0	8,6

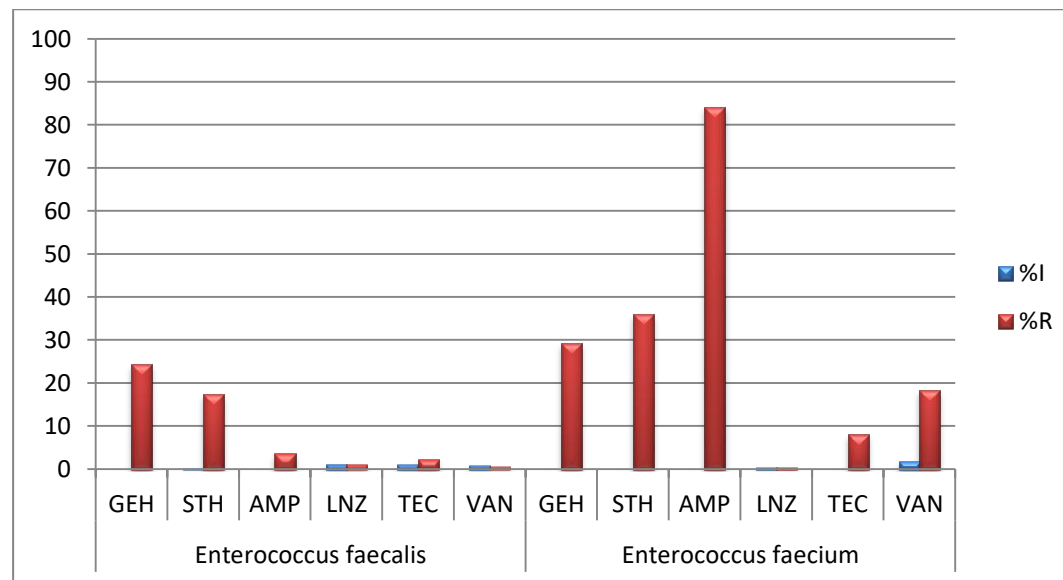


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Enterococcus sp.

Criterios: origen hospitalario

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente				
579	0	141	<i>Enterococcus faecalis</i>	GEH	0,0	24,4
494	1	86		STH	0,2	17,4
920	0	33		AMP	0,0	3,6
780	9	8		LNZ*	1,2	1,0
88	1	2		TEC	1,1	2,3
885	8	5		VAN*	0,9	0,6
113	0	33	<i>Enterococcus faecium</i>	GEH	0,0	29,2
92	0	33		STH	0,0	35,9
208	0	175		AMP	0,0	84,1
205	1	1		LNZ*	0,5	0,5
25	0	2		TEC	0,0	8,0
208	4	38		VAN*	1,9	18,3

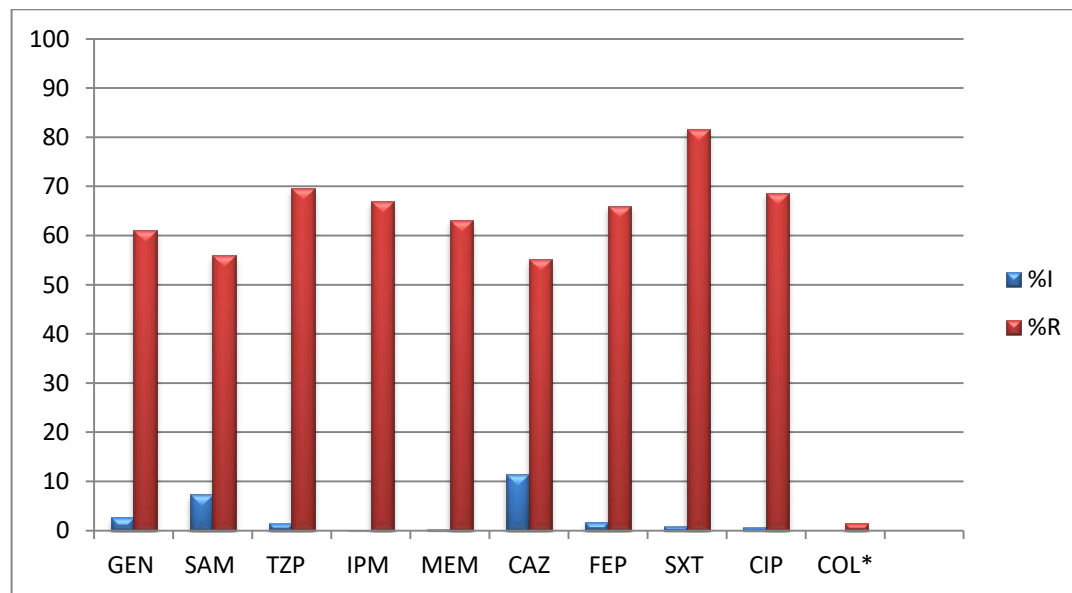


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Acinetobacter calcoaceticus baumannii complex

Criterios: origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente		%I	%R
696	19	425	GEN	2,7	61,1
647	48	362	SAM	7,4	56,0
581	9	404	TZP	1,5	69,5
683	1	457	IPM	0,1	66,9
636	2	402	MEM	0,3	63,2
709	82	391	CAZ	11,6	55,1
672	12	444	FEP	1,8	66,1
208	2	170	SXT	1,0	81,7
697	5	479	CIP	0,7	68,7
377	0	6	COL*	0,0	1,6

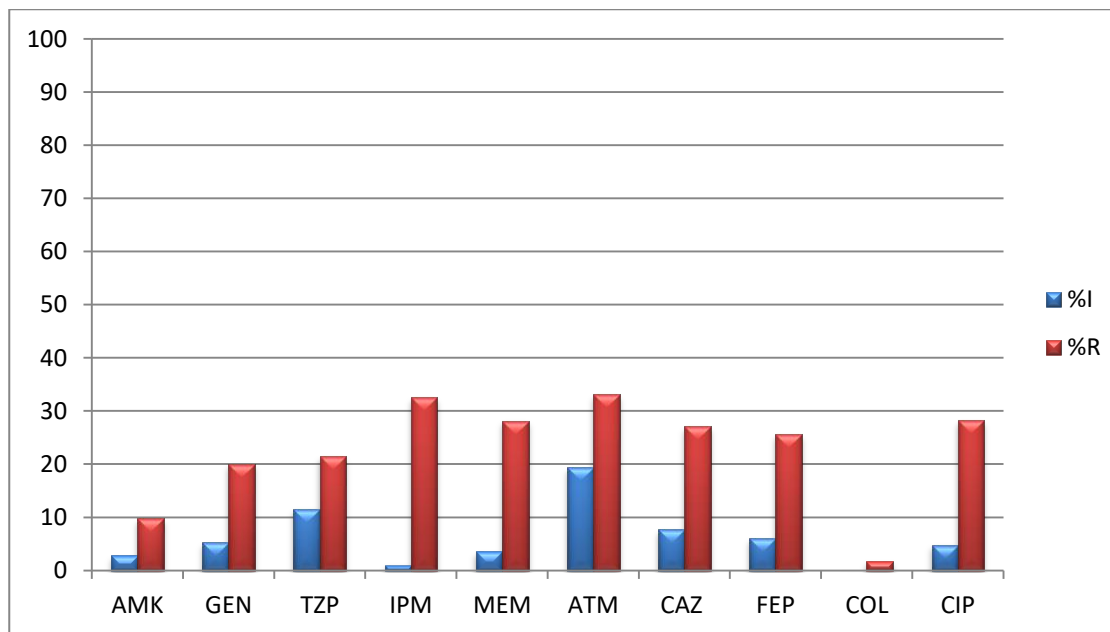


* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.

Pseudomonas aeruginosa

Criterios: origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Intermedio	Resistente
N°	Intermedia	Resistente		%I	%R
1973	57	193	AMK	2,89	9,78
2133	113	429	GEN	5,30	20,11
1687	195	361	TZP	11,56	21,40
2013	22	656	IPM	1,09	32,59
2016	73	568	MEM	3,62	28,17
124	24	41	ATM	19,35	33,06
2166	167	587	CAZ	7,71	27,10
2156	132	551	FEP	6,12	25,56
1050	0	19	COL*	0,00	1,81
2036	98	574	CIP	4,81	28,19



* Confirmar por métodos de referencia en caso de presentar intermedios o resistentes por metodologías manuales o automatizadas.