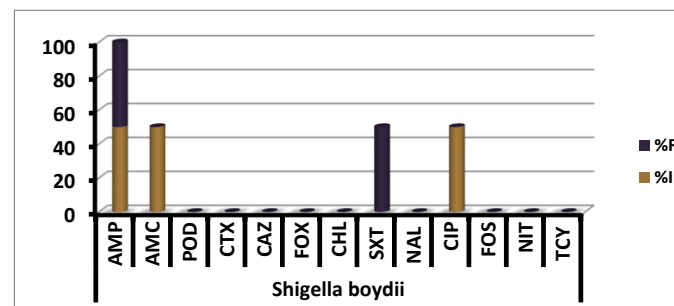
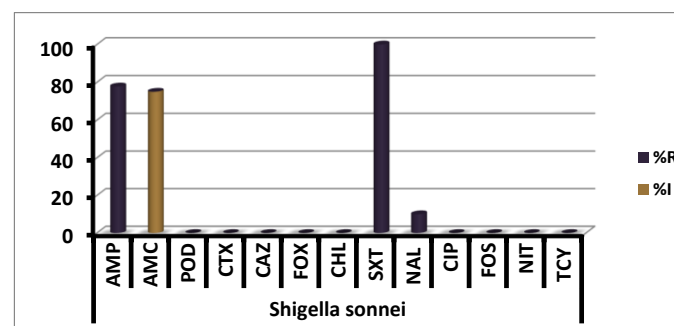
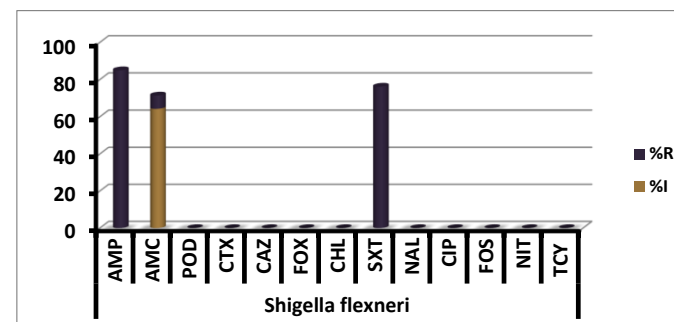


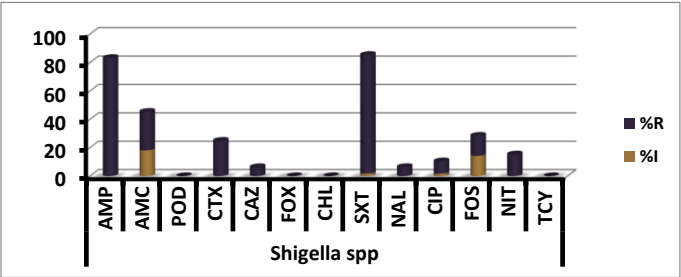
Shigella spp. de origen comunitario

Total Nº	Nº		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente
20	0	17	Shigella flexneri	AMP	0,00	85,00
14	9	1		AMC	64,29	7,14
NT	NT	NT		POD	# iVALOR!	# iVALOR!
19	0	0		CTX	0,00	0,00
15	0	0		CAZ	0,00	0,00
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
21	0	16		SXT	0,00	76,19
21	0	0		NAL	0,00	0,00
21	0	0		CIP	0,00	0,00
NT	NT	NT		FOS	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		NIT	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		TCY	# iVALOR!	# iVALOR!
9	0	7	Shigella sonnei	AMP	0,00	77,78
4	3	0		AMC	75,00	0,00
NT	NT	NT		POD	# iVALOR!	# iVALOR!
9	0	0		CTX	0,00	0,00
10	0	0		CAZ	0,00	0,00
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
10	0	10		SXT	0,00	100,00
10	0	1		NAL	0,00	10,00
10	0	0		CIP	0,00	0,00
NT	NT	NT		FOS	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		NIT	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	Shigella boydii	TCY	# iVALOR!	# iVALOR!
2	1	1		AMP	50,00	50,00
2	1	0		AMC	50,00	0,00
NT	NT	NT		POD	0,00	0,00
2	0	0		CTX	0,00	0,00
2	0	0		CAZ	0,00	0,00
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
2	0	1		SXT	0,00	50,00
2	0	0		NAL	0,00	0,00
2	1	0		CIP	50,00	0,00
NT	NT	NT		FOS	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	Shigella dysenteriae	NIT	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		TCY	# iVALOR!	# iVALOR!
0	0	0		AMP	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		AMC	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		POD	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		CTX	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		CAZ	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		FOX	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		CHL	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		SXT	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		NAL	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		CIP	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		FOS	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0	Shigella spp	NIT	# iDIV/0!	# iDIV/0!
0	0	0		TCY	# iDIV/0!	# iDIV/0!
54	0	45		AMP	0,00	83,33



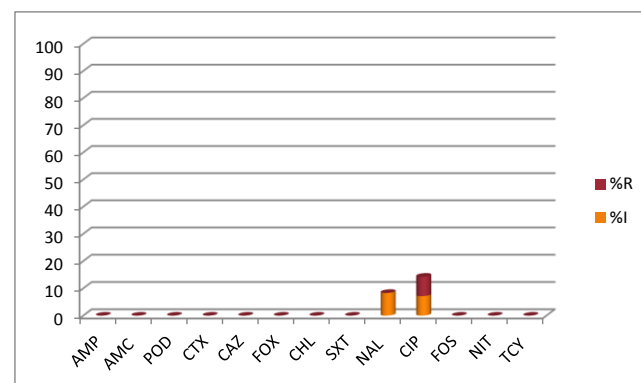
11	2	3
NT	NT	NT
8	0	2
47	0	3
NT	NT	NT
NT	NT	NT
55	1	46
31	0	2
57	1	5
7	1	1
13	0	2
NT	NT	NT

AMC	18,18	27,27
POD	#IVALOR!	#IVALOR!
CTX	0,00	25,00
CAZ	0,00	6,38
FOX	#IVALOR!	#IVALOR!
CHL	#IVALOR!	#IVALOR!
SXT	1,82	83,64
NAL	0,00	6,45
CIP	1,75	8,77
FOS	14,29	14,29
NIT	0,00	15,38
TCY	#IVALOR!	#IVALOR!

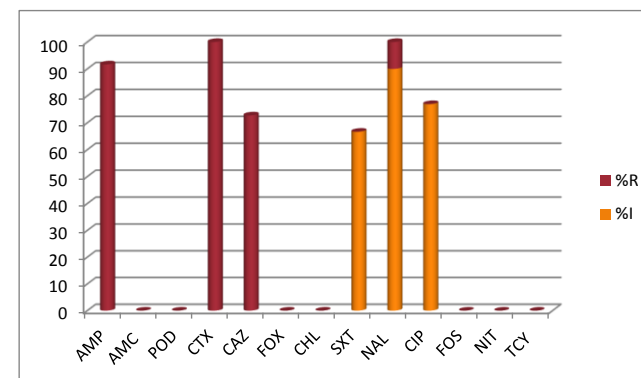


Salmonella por serotipos de origen comunitario

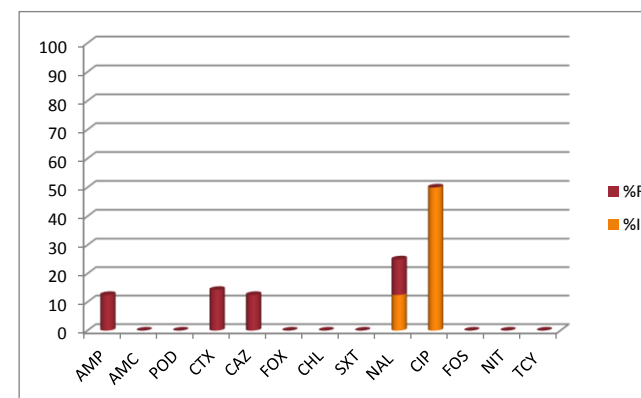
Serotipo	Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Enteritidis	13	0	0	AMP	0,00	0,00
	10	0	0	AMC	0,00	0,00
	NT	NT	NT	POD	#iVALOR!	#iVALOR!
	11	0	0	CTX	0,00	0,00
	14	0	0	CAZ	0,00	0,00
	3	0	0	FOX	0,00	0,00
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	12	0	0	SXT	0,00	0,00
	12	1	0	NAL	8,33	0,00
	14	1	1	CIP	7,14	7,14
	NT	NT	NT	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!



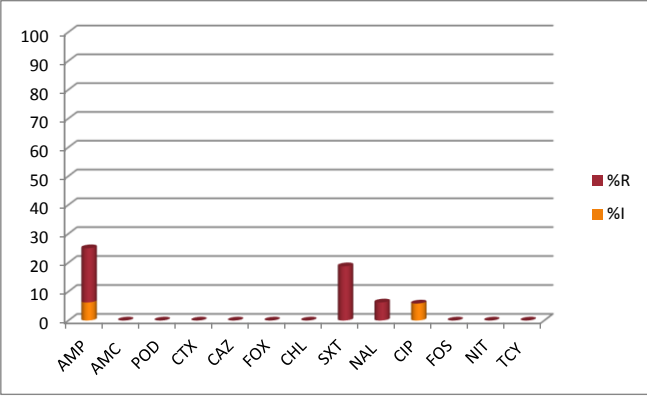
Serotipo	Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Infantis	12	0	11	AMP	0,00	91,67
	9	0	0	AMC	0,00	0,00
	NT	NT	NT	POD	#iVALOR!	#iVALOR!
	10	0	10	CTX	0,00	100,00
	11	0	8	CAZ	0,00	72,73
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	12	8	0	SXT	66,67	0,00
	10	9	1	NAL	90,00	10,00
	13	10	0	CIP	76,92	0,00
	NT	NT	NT	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!



Serotipo	Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Typhi	8	0	1	AMP	0,00	12,50
	7	0	0	AMC	0,00	0,00
	NT	NT	NT	POD	#iVALOR!	#iVALOR!
	7	0	1	CTX	0,00	14,29
	8	0	1	CAZ	0,00	12,50
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	8	0	0	SXT	0,00	0,00
	8	1	1	NAL	12,50	12,50
	8	4	0	CIP	50,00	0,00
	N/T	N/T	N/T	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
	N/T	N/T	N/T	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	N/A	N/A	N/A	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

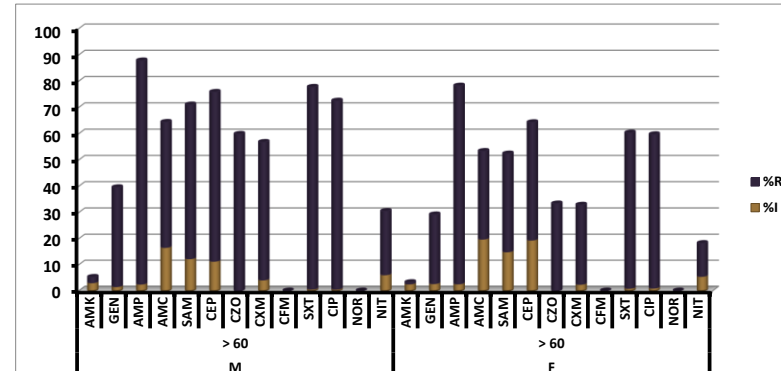
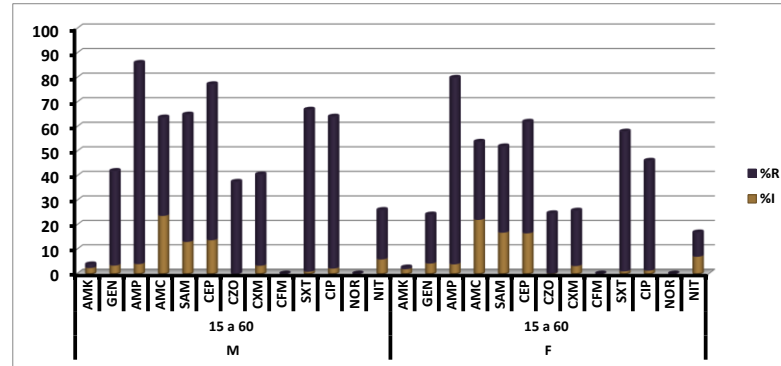
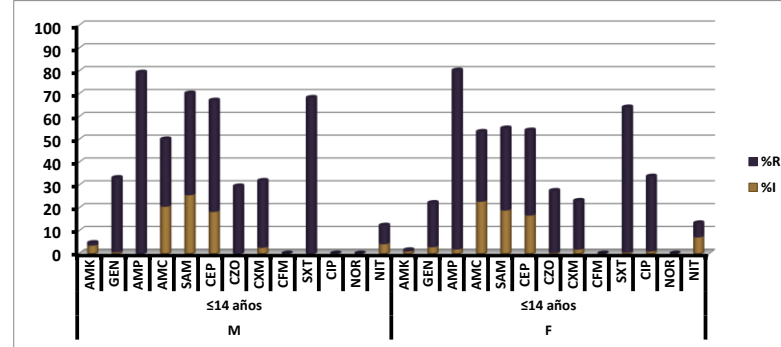


Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Typhimurium	16	1	3	AMP	6,25	18,75
	13	0	0	AMC	0,00	0,00
	NT	NT	NT	POD	#iVALOR!	#iVALOR!
	10	0	0	CTX	0,00	0,00
	17	0	0	CAZ	0,00	0,00
	12	0	0	FOX	0,00	0,00
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	16	0	3	SXT	0,00	18,75
	16	0	1	NAL	0,00	6,25
	17	1	0	CIP	5,88	0,00
	NT	NT	NT	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!



Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario

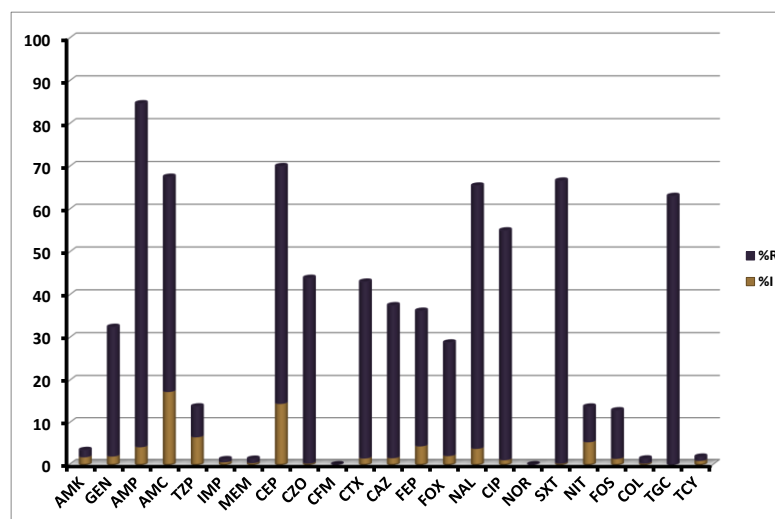
Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia				Intermedia	Resistente
109	4	1	M	≤14 años	AMK	3,67	0,92
136	1	44			GEN	0,74	32,35
130	0	103			AMP	0,00	79,23
82	17	24			AMC	20,73	29,27
97	25	43			SAM	25,77	44,33
103	19	50			CEP	18,45	48,54
0	0	0			CZO	0,00	29,41
17	0	5			CXM	2,73	29,09
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
110	3	32			SXT	0,00	68,18
ERROR CFM,CIP,	ROR CFM,CIP,N	OR CFM,CIP,			CIP	#IREFI	#IREFI
132	0	90			NOR	#IREFI	#IREFI
139	6	11			NIT	4,32	7,91
560	6	2	F	≤14 años	AMK	1,07	0,36
768	23	147			GEN	2,99	19,14
761	15	595			AMP	1,97	78,19
471	108	143			AMC	22,93	30,36
666	127	238			SAM	19,07	35,74
475	80	176			CEP	16,84	37,05
186	1	50			CZO	0,54	26,88
568	11	120			CXM	1,94	21,13
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
772	5	489			SXT	0,65	63,34
629	7	205			CIP	1,11	32,59
NT	NT	NT			NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
808	59	48			NIT	7,30	5,94
160	4	2	M	15 a 60	AMK	2,49	1,25
229	8	88			GEN	3,49	38,43
220	9	180			AMP	4,09	81,82
168	40	67			AMC	23,81	39,88
205	27	106			SAM	13,17	51,71
101	14	64			CEP	13,86	63,37
72		27			CZO	0,00	37,50
205	7	76			CXM	3,41	37,07
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
220	2	145			SXT	0,95	65,91
225	5	139			CIP	2,25	61,78
NT	NT	NT			NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
250	15	50			NIT	6,00	20,00
1807	36	9	F	15 a 60	AMK	1,99	0,50
2713	117	538			GEN	4,31	19,83
2674	107	2028			AMP	4,00	75,84
2208	490	698			AMC	22,19	31,61
2301	390	805			SAM	16,95	34,98
1259	210	570			CEP	16,68	45,27
811	1	199			CZO	0,12	24,54
2243	74	503			CXM	3,30	22,43
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
2763	31	1570			SXT	1,12	56,82
2709	38	1210			CIP	1,40	44,67
NT	NT	NT			NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
3063	218	297			NIT	7,12	9,70
230	7	5	M	> 60	AMK	3,04	2,17
324	5	123			GEN	1,54	37,96
319	8	272			AMP	2,51	85,27
247	41	118			AMC	16,60	47,77
269	33	158			SAM	12,27	58,74
186	21	120			CEP	11,29	64,52
107	0	64			CZO	0,00	59,81
266	11	140			CXM	4,11	52,63
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
332	2	256			SXT	0,61	77,11
345	2	248			CIP	0,58	71,88
NT	NT	NT			NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
361	22	88			NIT	6,09	24,38
1085	28	7	F	> 60	AMK	2,56	0,65
1409	38	373			GEN	2,70	26,47
1348	35	1019			AMP	2,60	75,59



1041	206	349			AMC	19,79	33,53
1194	178	447			SAM	14,91	37,44
680	132	305			CEP	19,41	44,85
552	0	184			CZO	0,00	33,33
1190	29	362			CXM	2,44	30,42
NT	NT	NT			CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
1443	13	857			SXT	0,90	59,39
1406	14	825			CIP	1,00	58,68
NT	NT	NT			NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
1514	83	193			NIT	5,48	12,75

Escherichia coli, de origen hospitalario

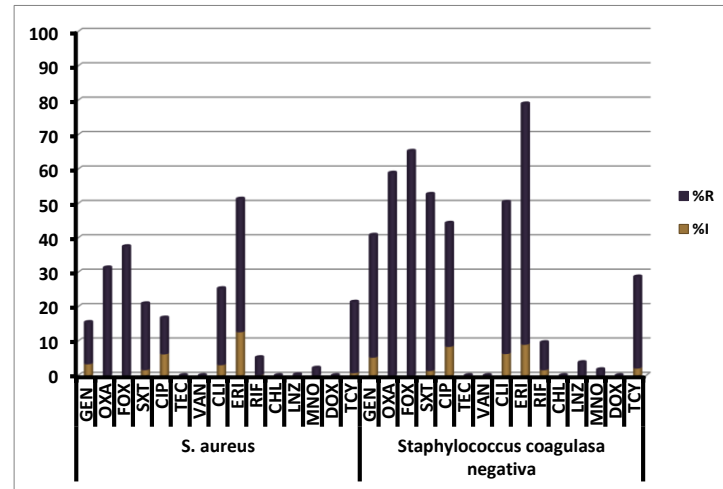
Total Nº	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3422	62	55	AMK	1,81	1,61
4545	91	1385	GEN	2,00	30,47
3816	161	3072	AMP	4,22	80,50
2037	355	1021	AMC	17,43	50,12
3032	200	220	TZP	6,60	7,26
3775	23	23	IMP	0,61	0,61
3186	13	29	MEM	0,41	0,91
1713	250	950	CEP	14,59	55,46
1639	5	715	CZO	0,31	43,62
NT	NT	NT	CFM	#IVALOR!	#IVALOR!
2639	40	1096	CTX	1,52	41,53
3840	61	1380	CAZ	1,59	35,94
3369	149	1072	FEP	4,42	31,82
3226	68	862	FOX	2,11	26,72
965	37	595	NAL	3,83	61,66
4400	49	2372	CIP	1,11	53,91
NT	NT	NT	NOR	#IVALOR!	#IVALOR!
4021	12	2668	SXT	0,30	66,35
3380	183	284	NIT	5,41	8,40
1687	24	194	FOS	1,42	11,50
651	2	7	COL	0,31	1,08
130	0	82	TGC	0,00	63,08
1374	13	12	TCY	0,95	0,87



Staphylococcus spp de origen comunitario

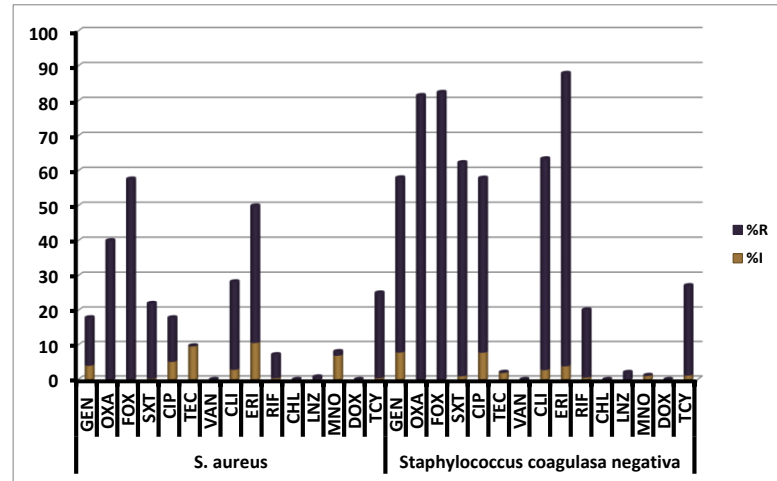
Total	Nº		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	Nº	Intermedio			Intermedio	Resistente
602	21	72	<i>S. aureus</i>	GEN	3,49	11,96
332	0	104		OXA	0,00	31,33
464	0	174		FOX	0,00	37,50
622	11	119		SXT	1,77	19,13
597	38	62		CIP	6,37	10,39
14	0	0		TEC	0,00	0,00
333	0	0		VAN	0,00	0,00
684	22	151		CLI	3,22	22,08
680	87	262		ERI	12,79	38,53
344	1	17		RIF	0,29	4,94
NT	NT	NT		CHL	#IVALOR!	#IVALOR!
441	0	1		LNZ	0,00	0,23
46	0	1		MNO	0,00	2,17
NT	NT	NT		DOX	#IVALOR!	#IVALOR!
337	3	69		TCY	0,89	20,47
463	25	164	<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	5,40	35,42
214	0	126		OXA	0,00	58,88
371	0	242		FOX	0,00	65,23
461	7	236		SXT	1,52	51,19
422	36	151		CIP	8,53	35,78
10	0	0		TEC	0,00	0,00
217	0	0		VAN	0,00	0,00
480	31	211		CLI	6,46	43,96
481	44	336		ERI	9,15	69,85
229	4	18		RIF	1,75	7,86
NT	NT	NT		CHL	#IVALOR!	#IVALOR!
264	0	10		LNZ	0,00	3,79
58	0	1		MNO	0,00	1,72
NT	NT	NT		DOX	#IVALOR!	#IVALOR!
223	5	59		TCY	2,24	26,46

VAN solo por CIM



Staphylococcus spp de origen hospitalario

Total	Nº		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	Nº	Intermedia			Intermedia	Resistente
1196	50	164	<i>S. aureus</i>	GEN	4,18	13,71
790	0	316		OXA	0,00	40,00
713	0	411		FOX	0,00	57,64
1239	5	268		SXT	0,40	21,63
1057	56	133		CIP	5,30	12,58
41	4	0		TEC	9,76	0,00
806	0	0		VAN	0,00	0,00
1338	40	338		CLI	2,99	25,26
1347	145	528		ERI	10,76	39,20
918	5	61		RIF	0,54	6,64
NT	NT	NT		CHL	#IVALOR!	#IVALOR!
1063	0	8		LNZ	0,00	0,75
99	7	1		MNO	7,07	1,01
NT	NT	NT		DOX	#IVALOR!	#IVALOR!
882	5	216		TCY	0,57	24,49
1414	113	707	<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	7,99	50,00
823	0	671		OXA	0,00	81,53
1013	0	835		FOX	0,00	82,43
1338	15	819		SXT	1,12	61,21
1019	81	509		CIP	7,95	49,95
96	2	0		TEC	2,08	0,00
842	0	0		VAN	0,00	0,00
1545	45	935		CLI	2,91	60,52
1550	62	1300		ERI	4,00	83,87
938	7	182		RIF	0,75	19,40
NT	NT	NT		CHL	#IVALOR!	#IVALOR!



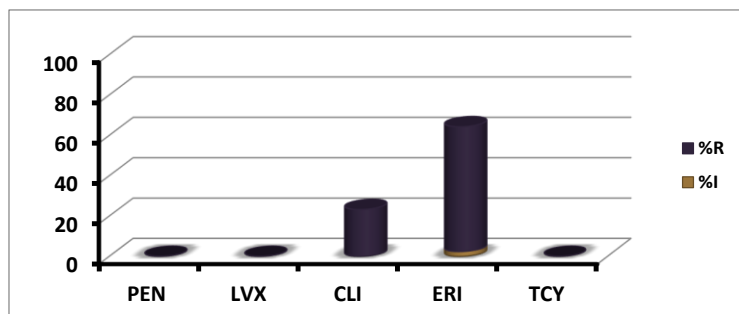
1118	0	23		LNZ	0,00	2,06
251	3	0		MNO	1,20	0,00
NT	NT	NT		DOX	#IVALOR!	#IVALOR!
928	12	240		TCY	1,29	25,86

VAN solo por CIM

***Streptococcus B-hemolítico del grupo A (S. pyogenes)* de origen comunitario**

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
53			PEN		0,00
7	0	0	LVX	0,00	0,00
43	0	10	CLI	0,00	23,26
42	1	26	ERI	2,38	61,90
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

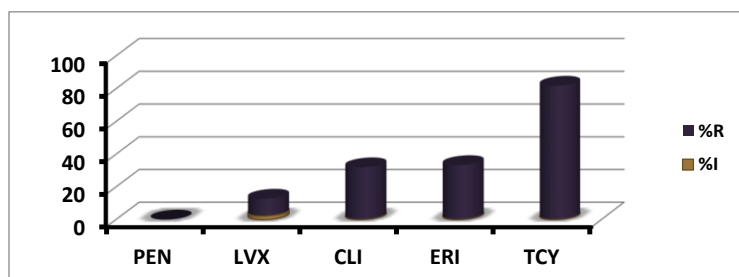
Nº de aislamientos no sensibles



***Streptococcus B-hemolítico del grupo B (S. agalactiae)* de origen comunitario**

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
66			PEN		0,00
47	1	5	LVX	2,13	10,64
50	0	16	CLI	0,00	32,00
27	0	9	ERI	0,00	33,33
44	0	36	TCY	0,00	81,82

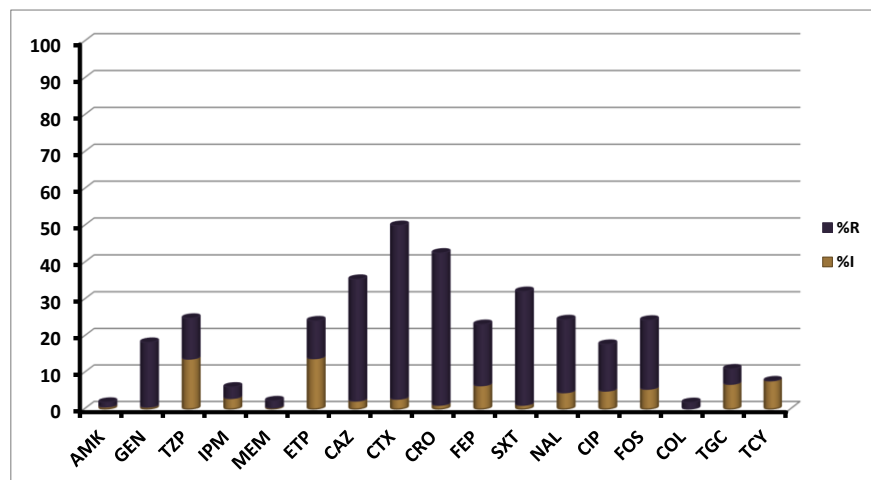
Nº de aislamientos no sensibles



Enterobacter cloacae de origen hospitalario

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
384	2	5	AMK	0,52	1,30
422	2	75	GEN	0,47	17,77
322	44	36	TZP	13,66	11,18
384	11	12	IPM	2,86	3,13
360	1	7	MEM	0,28	1,94
29	4	3	ETP	13,79	10,34
418	9	139	CAZ	2,15	33,25
150	4	71	CTX	2,67	47,33
395	4	164	CRO	1,01	41,52
393	25	66	FEP	6,36	16,79
299	3	93	SXT	1,00	31,10
45	2	9	NAL	4,44	20,00
429	21	55	CIP	4,90	12,82
74	4	14	FOS	5,41	18,92
172	0	3	COL	0,00	1,74
237	16	10	TGC	6,75	4,22
13	1	0	TCY	7,69	0,00

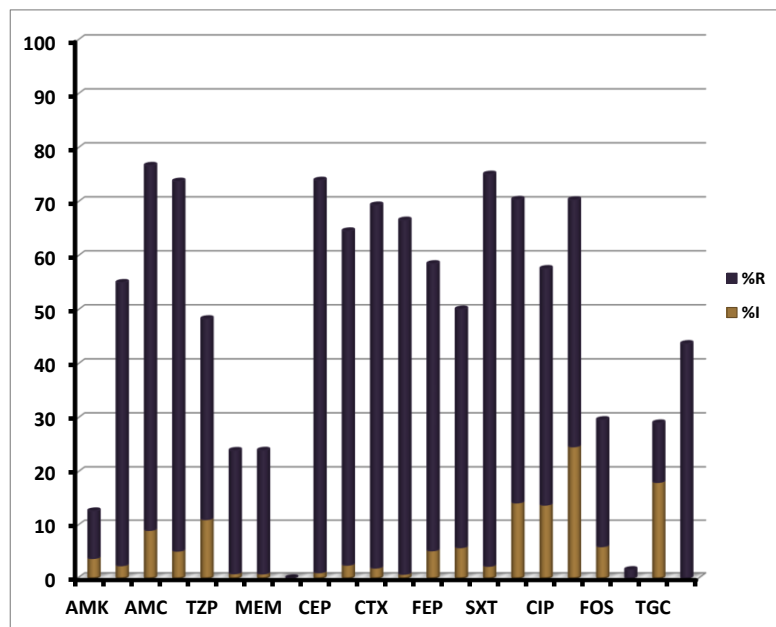
COL solo por CIM



Klebsiella pneumoniae de origen hospitalario

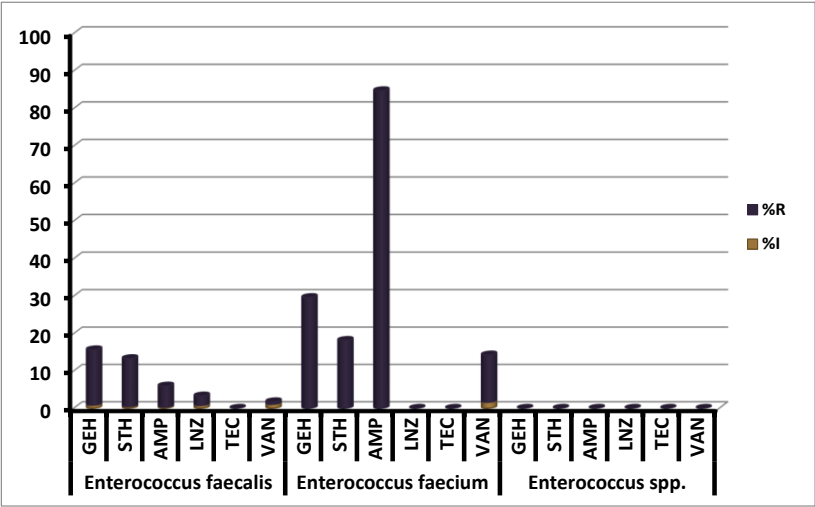
Total N°	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1244	46	112	AMK	3,70	9,00
1551	36	818	GEN	2,32	52,74
654	59	443	AMC	9,02	67,74
1219	62	838	AMS	5,09	68,74
1156	128	431	TZP	11,07	37,28
1382	11	320	IPM	0,80	23,15
1309	10	304	MEM	0,76	23,22
NT	NT	NT	ETP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
404	4	295	CEP	0,99	73,02
1484	36	923	CAZ	2,43	62,20
801	15	541	CTX	1,87	67,54
1438	10	948	CRO	0,70	65,92
1397	72	746	FEP	5,15	53,40
1097	63	487	FOX	5,74	44,39
1174	26	856	SXT	2,21	72,91
281	40	158	NAL	14,23	56,23
1556	215	682	CIP	13,82	43,83
689	170	315	NIT	24,67	45,72
354	21	84	FOS	5,93	23,73
450	0	7	COL	0,00	1,56
592	107	65	TGC	18,07	10,98
48	0	21	TCY	0,00	43,75

COL solo por CIM



Enterococcus spp. de origen hospitalario

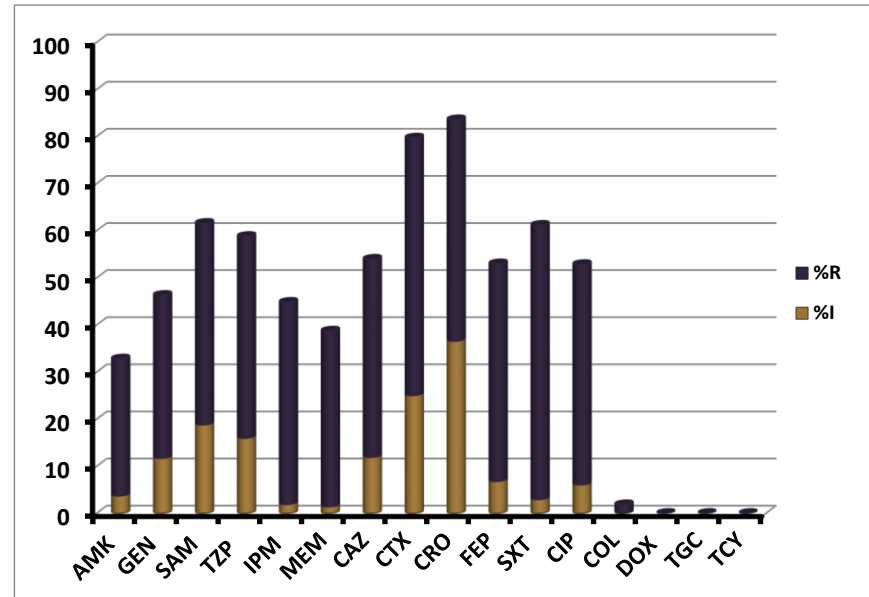
Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
N°	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente
249	2	37	Enterococcus faecalis	GEH	0,80	14,86
233	1	30		STH	0,43	12,88
336	1	19		AMP	0,30	5,65
273	2	7		LNZ	0,73	2,56
15	0	0		TEC	0,00	0,00
286	3	2		VAN	1,05	0,70
54	0	16	Enterococcus faecium	GEH	0,00	29,63
55	0	10		STH	0,00	18,18
72	0	61		AMP	0,00	84,72
57	0	0		LNZ	0,00	0,00
NT	NT	NT		TEC	#iVALOR!	#iVALOR!
63	1	8		VAN	1,59	12,70
NT	NT	NT	Enterococcus spp.	GEH	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT		STH	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT		AMP	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT		LNZ	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT		TEC	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT		VAN	#iVALOR!	#iVALOR!



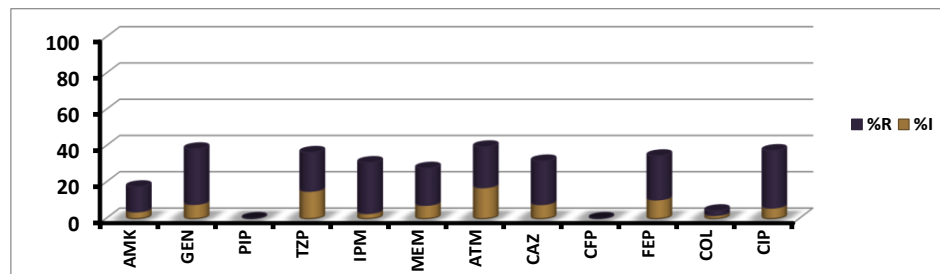
Acinetobacter baumannii de origen hospitalario

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
244	9	71	AMK	3,69	29,10
283	33	98	GEN	11,66	34,63
229	43	98	SAM	18,78	42,79
182	29	78	TZP	15,93	42,86
212	4	91	IPM	1,89	42,92
217	3	81	MEM	1,38	37,33
278	33	117	CAZ	11,87	42,09
64	16	35	CTX	25,00	54,69
219	80	103	CRO	36,53	47,03
251	17	116	FEP	6,77	46,22
206	6	120	SXT	2,91	58,25
282	17	132	CIP	6,03	46,81
108	0	2	COL	0,00	1,85
NT	NT	NT	DOX	#¡VALOR!	#¡REF!
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

COL solo por CIM



<i>Pseudomonas aeruginosa</i> de origen hospitalario					
Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
870	32	120	AMK	3,68	13,79
884	69	270	GEN	7,81	30,54
NT	NT	NT	PIP	# iVALOR!	# iVALOR!
745	112	159	TZP	15,03	21,34
825	23	231	IPM	2,79	28,00
795	58	162	MEM	7,30	20,38
147	25	33	ATM	17,01	22,45
894	69	214	CAZ	7,72	23,94
NT	NT	NT	CFP	# iVALOR!	# iVALOR!
855	88	207	FEP	10,29	24,21
235	4	6	COL	1,70	2,55
725	42	229	CIP	5,79	31,59



Sigla	Nombre del	Clase
AMK	Amikacina	Aminoglucósido
GEH	Gentamicina	Aminoglucósido
GEN	Gentamicina	Aminoglucósido
SP	Espectomicina	Aminoglucósido
STH	Estreptomicina	Aminoglucósido
AMP	Ampicilina	Betalactámico
AMX	Amoxicilina	Betalactámico
OXA	Oxacilina	Betalactámico
PEN	Penicilina	Betalactámico
PIP	Piperacilina	Betalactámico
TIC	Ticarcilina	Betalactámico
AMC	Amoxicilina-A	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
SAM	Ampicilina-su	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
TZP	Piperacilina-T	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
IPM	Imipenem	Betalactámico, Carbapenem
MEM	Meropenem	Betalactámico, Carbapenem
ETP	Ertapenem	Betalactámico, Carbapenem
ATM	Aztreonam	Betalactámico, Monobactámico
CTC	Cefotaxima-A	Cefalosporina + inhibidor de lactamasa
CEP	Cefalotina	Cefalosporina, 1ra Generación
CZO	Cefazolina	Cefalosporina, 1ra Generación
CEC	Cefaclor	Cefalosporina, 2da Generación
CXM	Cefuroxima	Cefalosporina, 2da Generación
FOX	Cefoxitina	Cefalosporina, 2da Generación
C3G	Cefalosporina	Cefalosporina, 3ra Generación
CFM	Cefixima	Cefalosporina, 3ra Generación (oral)
CAZ	Ceftazidima	Cefalosporina, 3ra Generación
CFP	Cefoperazona	Cefalosporina, 3ra Generación
CRO	Ceftriaxona	Cefalosporina, 3ra Generación
CTX	Cefotaxima	Cefalosporina, 3ra Generación
POD	Cefpodoxima	Cefalosporina, 3ra Generación
FEP	Cefepime	Cefalosporina, 4ta Generación
CHL	Cloranfenicol	Cloranfenicol
COL	Colistina	Péptido cíclico
	Trimethoprim	Dihydrofolate reductase inhibitors
SXT	Trimethoprim	Dihydrofolate reductase inhibitors + Sulfa Drug
ENR	Enrofloxacin	Fluoroquinolona
LVX	Levofloxacin	Fluoroquinolona
PEF	Pefloxacin	Fluoroquinolona
NOR	Norfloxacin	Fluoroquinolona, 1ra Generación
CIP	Ciprofloxacin	Fluoroquinolona, 2da Generación
OFX	Oflaxacin	Fluoroquinolona, 2da Generación
FOS	Fosfomicina	Fosfomicina
TEC	Teicoplanina	Glucopéptido
VAN	Vancomicina	Glucopéptido
CLI	Clindamicina	Lincosamida
LIN	Lincomicina	Lincosamida
LNZ	Linezolid	Oxazolidinona
AZM	Azitromicina	Macrólido
CLR	Claritromicina	Macrólido
ERI	Eritromicina	Macrólido

FRZ	Furazolidona	Nitrofurano
NIT	Nitrofurantoin	Nitrofurano
NAL	Acido nalidixi	Quinolona
RIF	Rifampicina	Rifampicina
SLF	Sulfatiazol	Sulfamida
DOX	Doxiciclina	Tetraciclina
MNO	Minociclina	Tetraciclina
TCY	Tetraciclina	Tetraciclina
TGC	Tigeciclina	Tetraciclina (glicilciclina)